

Paramètres définis dans le CR standardisé du réseau

ID (nom de la variable après extraction)	Libellé visible à l'écran	Type	Unit	Code (valeurs de la variable après extraction)	Libellé (visible à l'écran)
1. Informations générales patient					
Nom	Nom	Chaîne			
NomJF	Nom de jeune fille	Chaîne			
Prenom	Prénom	Chaîne			
IdFormulaire	Non visible	Chaîne			
DateNaiss	Date de naissance	Date	dd/mm/yyyy		
Commune d'habitation					
2. Informations générales Prélèvement					
EtaPrelev	Nom établissement de prélèvement	Chaîne			
Origine du prélèvement	Origine du prélèvement	1 choix possible		centre	centre
				préleveur extérieur	préleveur extérieur
				reseau sarcomes	réseau sarcomes
				relecture	relecture
				second avis	second avis
				techniques complémentaires	techniques complémentaires
				protocole	protocole
Si origine=centre ou préL extérieur					
Preleveur	Préleveur	Chaîne			
Si origine = autre					
Structure ACP extérieure	Laboratoire	Chaîne			
Pathologiste extérieur	Pathologiste	Chaîne			
NumExamen extérieur					
Diagnostic extérieur					

ID (nom de la variable après extraction)	Libellé visible à l'écran	Type	Unit	Code (valeurs de la variable après extraction)	Libellé (visible à l'écran)
DatePrèl	Date de prélèvement	Date	dd/mm/yyyy		
Datecptrendu	Date compte-rendu	Date	dd/mm/yyyy		
IdPatient	N° dossier	Chaîne			
NumExamen	N° examen	Chaîne			
3. Renseignements cliniques					
Siege	Siège	1 choix possible		liste déroulante 1 (voir feuille 1)	
SiegeLat	Côté	1 choix possible		gauche	gauche
				droit	droit
				médian	médian
				np	NP
TailleLesEval	Taille	1 choix possible		précisée	précisée
				non précisé	Non précisé
TailleLesion et TailleLesUnite	Si oui	Chaîne			
LesProf (nbcoll = "")	Profondeur	Choix multiple		sus aponévrotique	sus-aponévrotique
				aponévrotique	aponévrotique
				sous aponévrotique	sous-aponévrotique
				np	NP
Antecedent_x (nbcoll = "")	Antécédents	Choix multiple		aucun	aucun
				cancer antérieur	cancer antérieur
				tumeur sur tissus irradiés	tumeur sur tissus irradiés
				tumeur sur lymphoedème	tumeur sur lymphoedème
				Recklinghausen	Recklinghausen
				syndrome de Gardner	syndrome de Gardner
				syndrome de Li Fraumeni	Syndrome de Li Fraumeni
				immunodéprimé - HIV	
				immunodéprimé - autre	
				rétinoblastome familial	
autre maladie génétique					
				autre	
				inconnu	
MotifPrelev	Motif du prélèvement	1 choix possible		tumeur primaire	tumeur primaire
				reprise chirurgicale	reprise chirurgicale
				récidive locale	récidive locale
				métastase	métastase

ID (nom de la variable après extraction)	Libellé visible à l'écran	Type	Unit	Code (valeurs de la variable après extraction)	Libellé (visible à l'écran)
TraitAnt_x (nbcol = "")	Traitement avant le prélèvement	Choix multiple		aucun	aucun
				chimiothérapie	chimiothérapie
				radiothérapie	radiothérapie
				membre isolé perfusé	membre isolé perfusé
TypePrelev	Type de prélèvement	1 choix possible		microbiopsie	microbiopsie
				biopsie chirurgicale	biopsie chirurgicale
				biopsie exérèse	biopsie exérèse
				réséction	réséction
				amputation	amputation
4. Examen macroscopique					
MacroPrelev (nbcom = "")	Prélèvement	Choix multiple		état frais	état frais
				formol	formol
				AFA	AFA
				Bouin	Bouin
				Hollande	Hollande
				molecular fix	molecular fix
				congélation	congélation
				RNA later	RNA later
MacroExerese	Exérèse	1 choix possible		monobloc	monobloc
				fragmenté	fragmenté
				non précisé	non précisé
Commentaire_macro_1	Commentaire	Chaîne			
PrelevOriente	Prélèvement orienté	1 choix possible		oui	oui
				non	non
MacroSchemCom	Schéma communiqué	Encoded		oui	oui
				non	non
MacroTaillePrelev	Taille du prélèvement	Decimal	mm		
MacroMargeExerese	Marges d'exérèse évaluables	1 choix possible		oui	oui
				non	non
MacroMargeExereseCause	Si non, indiquer la raison	1 choix possible		Enucléation	Enucléation
				Fragmentation	Fragmentation
				Non orienté	Non orientée
				autre	autre

ID (nom de la variable après extraction)	Libellé visible à l'écran	Type	Unit	Code (valeurs de la variable après extraction)	Libellé (visible à l'écran)
MacroEncrPrel	Encrage de la pièce	1 choix possible		oui	oui
				non	non
PrelevCouleur	Couleur	1 choix possible		vert	vert
				noir	noir
				bleu	bleu
				jaune	jaune
				rouge	rouge
PrelevFace	Face	1 choix possible		superficielle	superficielle
				antérieure	antérieure
				supérieure	supérieure
				inférieure	inférieure
				externe	externe
				interne	interne
				profonde	profonde
				supéro-interne	supéro-interne
				inféro-interne	inféro-interne
				inféro-externe	inféro-externe
				supéro-externe	supéro-externe
non précisée	non précisée				
Commentaire_macro_3	Commentaire	Chaîne			
MacroStructAna (nbc=7)	Structures anatomiques	Choix multiple		lambeau cutané	lambeau cutané
				tissu adipeux sous cutanés	tissu adipeux sous cutanés
				muscles	muscles
				vaisseaux	vaisseaux
				nerf	nerf
				os	os
autres	autres				
Commentaire_macro_4	Commentaire	Chaîne			
TumeurType	Tumeur	1 choix possible		unique	unique
				multiple	multiple
				non	non
TumeurTaille	Taille de la tumeur	Decimal	mm		

ID (nom de la variable après extraction)	Libellé visible à l'écran	Type	Unit	Code (valeurs de la variable après extraction)	Libellé (visible à l'écran)
TissusEnvah (nbcot=9)	Tissus envahis	Choix multiple		peau	peau
				hypoderme	hypoderme
				aponévrose supérieure	aponévrose supérieure
				muscles	muscles
				viscères	viscères
				vaisseaux	vaisseaux
				nerf	nerf
				os	os
				autres	autres
Commentaire_macro_5	Commentaire	Chaîne			
MacroNecrose	Nécrose	1 choix possible		non	non
				< 50%	< 50%
				>= 50	>= 50
TumeurContour	Contours de la tumeur	1 choix possible		bien limitée avec pseudocapsule	bien limitée avec pseudocapsule
				bien limitée avec sans-pseudocapsule	bien limitée sans pseudocapsule
				infiltrante	infiltrante
				mixte	mixte
				np	np
TumeurAspect1	Aspect de la tumeur (1)	1 choix possible		homogène	homogène
				hétérogène	hétérogène
TumeurAspect2 (nbcot = 5)	Aspect de la tumeur (2)	Choix multiple		gélatineux	gélatineux
				adipeux	adipeux
				charnu	charnu
				hémorragique	hémorragique
				kyste	kyste
Photos	Photos	1 choix possible		oui	oui
				non	non
Tumorotheque centre	Tumorotheque centre	1 choix possible		oui	oui
				non	non
Tumorotheque externe	Tumorotheque externe	1 choix possible		oui	oui
				non	non

ID (nom de la variable après extraction)	Libellé visible à l'écran	Type	Unit	Code (valeurs de la variable après extraction)	Libellé (visible à l'écran)
Fixateurs (nbcol = 6)	Fixateurs utilisés	Choix multiple		formol	formol
				AFA	AFA
				Bouin	Bouin
				Hollande	Hollande
				molecular fix	molecular fix
				autre	autre
NbBlocsTotal	Nombre de blocs : total	Decimal			
NbBlocsTumeur	Nombre de blocs : tumeur	Decimal			
Bloc(s) conservé(s) en archive	Nombre de blocs conservés en archive			conditionnel si origine=autre que centre ou prél extérieur	
5. Examen histologique					
HistoType	type histologique	1 choix possible		(voir menu déroulant 3)	
HistoSSType	Sous-type histologique	1 choix possible		(voir menu déroulant 3)	
Commentaire_histo_1	Commentaire	Chaîne			
Histolmmuno	Immunohistochimie	1 choix possible		oui	oui
				non	non

ID (nom de la variable après extraction)	Libellé visible à l'écran	Type	Unit	Code (valeurs de la variable après extraction)	Libellé (visible à l'écran)
HistImmunoMarqueur (nb col =18)	Si oui	Choix multiple		pancytokératine (AE1/AE3)	pancytokératine (AE1/AE3)
				pancytokératine KL1	pancytokératine KL1
				cytokératine 7	cytoK 7
				cytokératine 20	cytoK 20
				cytokératine 5/6	CytoK 5/6
				EMA	EMA
				P63	P63
				Protéine S100	Protéine S100
				HMB45	HMB45
				MelanA	MelanA
				CD34	CD34
				CD31	CD31
				ERG	ERG
				Actine musculaire lisse	Actine musculaire lisse
				Desmine	Desmine
				Caldesmone	Caldesmone
				Myogénine	Myogénine
				Transgéline	Transgéline
				MDM2	MDM2
				CDK4	CDK4
				HMGA2	HMGA2
				RB1	RB1
				C-Kit	C-Kit
				DOG1	DOG1
				CD99	CD99
				Cycline B3	Cycline B3
				MUC4	MUC4
				STAT6	STAT6
				TFE3	TFE3
				Ini1	Ini1
				ALK1	ALK1
				HHV8	HHV8
				RE	RE
RP	RP				
Mib1 (%)	Mib1 (%)				
HistImmunoMarqueurRes (nb col =18)		1 choix possible		positif diffus	positif diffus
				positif focal	positif focal
				négatif	négatif
				non interprétable	non interprétable
				non fait	non fait
				ou saisie pour Mib1 (%)	ou saisie pour Mib1 (%)

ID (nom de la variable après extraction)	Libellé visible à l'écran	Type	Unit	Code (valeurs de la variable après extraction)	Libellé (visible à l'écran)
Commentaire_histo_2	Commentaire	Chaîne			
HistoGrade	Grade	1 choix possible		1	1
				2	2
				3	3
				na	na
HistoDifferentiation	Différentiation	1 choix possible		1	1
				2	2
				3	3
				na	na
HistoNecrose	Nécrose	1 choix possible		0	0
				1	1
				2	2
				na	na
HistoIndMitotique	Index mitotique	1 choix possible		1	1
				2	2
				3	3
				na	na
HistoNbMitoses/mm2	Nombre de mitoses/mm2	Decimal			
HistoNbMitoses/5mm2	Nombre de mitoses/5mm2				
HistoNbMitoses10HPF	Nombre de mitoses/10HPF	decimal			
HistoTissusEnvah (nbcoll = 9)	Tissus envahis	Choix multiple		derme	derme
				hypoderme	hypoderme
				aponévrose superficielle	aponévrose superficielle
				muscles	muscles
				viscère	viscère
				vaisseaux	vaisseaux
				nerf	nerf
				os	os
				autre	autre
EmbolesVasc	Emboles Vasculaires	1 choix possible		non	non
				oui	oui
				non précisé	nb
ModeInfiltration	Mode d'infiltration	1 choix possible		bien limité	bien limité
				infiltrant	infiltrant
Commentaire_histo_3	Commentaire	Chaîne			

ID (nom de la variable après extraction)	Libellé visible à l'écran	Type	Unit	Code (valeurs de la variable après extraction)	Libellé (visible à l'écran)
HistoBergesExerese	Berges d'exérèse sur pièce	Chaîne			
HistoBergesExereseDist et HistoBergesExereseDistUnite	Berges d'exérèse sur pièce/topographie/Distance	Decimal			
HistoBergesExereseNature	Berges d'exérèse sur pièce/topographie/Nature	1 choix possible		adipeux sous-cutané	adipeux sous-cutané
				fascia épais / capsule articulaire	fascia épais / capsule articulaire
				muscle	muscle
				périoste	périoste
				périnèvre	périnèvre
				périmysium	périmysium
				adventice	adventice
				os	os
synoviale	synoviale				
Commentaire_histo_4	Commentaire	Chaîne			
QualExerese	Qualité de l'exérèse chirurgicale	1 choix possible		R0	R0
				R1	R1
				non évaluable	non évaluable
6. Réponse histologique après traitement néo-adjuvant					
RepHistCellulariteTumorale	Cellularité tumorale	Decimal			
RepHistNecrose	Nécrose	Decimal			
RepHistFibrose	Fibrose	Decimal			
RepHistIndMitotique	Index mitotique	1 choix possible		1	1
				2	2
				3	3
				na	na
RepHistNbMitoses	Nombre de mitoses/mm2	Nombre			
Conclusion					
HistoType	Type histologique	Chaîne			
HistoGrade	Grade	Chaîne			
MacroMargeExerese	Marges	Chaîne			
Commentaire					
Commentaire	Commentaires				
CodeAdicap	CODE ADICAP				
CodeCIM10	CIM10				